

ANÁLISE DE VÍRUS ENTÉRICOS EM PROPRIEDADES RURAIS DE TAQUARA, RS

Mayra Cristina Soliman¹, Joseane Vanessa dos Santos da Silva¹, Mariana Kluge¹, Roger Bordin da Luz¹, Aline Mara Pacheco¹, Rafael Bandeira Fabres¹, Thaís Fontana¹, Manoela Tressoldi Rodrigues¹, Rodrigo Staggemeier¹, Bianca Bergamaschi², Juliana Comerlato³, Juliane Deisi Fleck^{1,4} e Fernando Rosado Spilki^{1,4} (orient.)

¹Laboratório de Microbiologia Molecular, Instituto de Ciências da Saúde, Universidade Feevale; ²Programa de Pós-Graduação em Ciências Veterinárias, UFRGS; ³Programa de Pós-Graduação em Microbiologia Agrícola e do Ambiente, UFRGS; ⁴Programa de Pós-Graduação em Qualidade Ambiental, Universidade Feevale; mayra_soliman@hotmail.com; fernadors@feevale.br.

Dentre os vírus entéricos, os adenovírus (AdV, família Adenoviridae, DNA dupla fita), os rotavírus do genogruppo A (GARV, família Reoviridae, RNA fita dupla segmentado) e os enterovírus (EV, família Picornaviridae, RNA fita única) podem ser candidatos como microrganismos indicadores de poluição fecal da água. O objetivo desta pesquisa foi verificar a presença de AdV, GARV, EV dos grupo póliovírus e EV bovino (BEV) em amostras de água superficiais e subterrâneas coletadas de dez propriedades rurais no município de Taquara, RS. Foram coletadas quarenta e quatro amostras de 500mL, em frascos esterilizados e submetidas a um processo de concentração pelo método de adsorção-eluição, empregando uma membrana de polaridade negativa, sendo posteriormente realizada a extração do DNA/RNA viral. Para GARV e EV, foi realizada a síntese de DNA complementar (cDNA) por transcrição reversa e em seguida, realizada a reação em cadeia da polimerase (PCR). Na PCR, foram utilizados oligonucleotídeos com potencial alinhamento em regiões conservadas do genoma de cada espécie viral, correspondendo ao gene da proteína do hexon de AdV, o gene VP6 de GARV, a região 5'UTR de póliovírus e ao gene 3dpol de BEV. Após, os produtos foram submetidos à eletroforese em gel de agarose 2% e visualizados sob luz ultravioleta. Das quarenta e quatro amostras analisadas; 13 resultaram positivas para ADV; 10 para GARV; 04 para póliovírus e todas negativas para BEV. Tais resultados indicam possível contaminação por AdV, póliovírus e GARV em diferentes proporções nas propriedades rurais de Taquara.

(Apoio: CNPq/CAPES/FAPERGS)